

MATEUSZ SACHAJKO

CONTACT

Phone: +48 517 607 344

Email: mateuszsachajko@gmail.com

[Google Scholar](#)

[GitHub](#)

[LinkedIn](#)

O MNIE

Podczas doktoratu analizowałem dane genetyczne, pochodzące z sekwencjonowania. Wykorzystałem do tego metody statystyczne, a także narzędzia bioinformatyczne. W trakcie projektów, coraz bardziej rozwijałem w sobie zainteresowanie statystyką, analizą danych i informatyką, co doprowadziło do tego, że rozpocząłem studia niestacjonarne z informatyki

UMIEJĘTNOŚCI

- R
- Statystyka
- Linux
- PostgreSQL
- Java

INNE UMIEJĘTNOŚCI

- Samodzielność
- Samodyscyplina
- Wielozadaniowość
- Chęć do nauki
- Angielski: C1

HOBBY

- Nauka nowych rzeczy
- Genetyka
- Gry komputerowe
- Gitara
- Giełda

DOŚWIADCZENIE

Doktorant

10.2018 – obecnie | Uniwersytet Mikołaja Kopernika w Toruniu

- Analizy bioinformatyczne
- Analiza statystyczna danych biologicznych
- Prowadzenie zajęć ze studentami

EDUKACJA

Informatyka (Studia inżynierskie)

2019– obecnie | Uniwersytet Mikołaja Kopernika w Toruniu

Bioinżynieria zwierząt (Studia magisterskie)

2017– 2018 | Szkoła Główna Gospodarstwa Wiejskiego w Warszawie

Bioinżynieria zwierząt (Studia inżynierskie)

2013 – 2017 | Szkoła Główna Gospodarstwa Wiejskiego w Warszawie

PROJEKTY

Moja Kancelaria

Aplikacja służąca do zarządzania zadaniami w kancelarii napisana w Javie. Wykorzystałem JavaFX do stworzenia interfejsu użytkownika, a także ORMLite to komunikacji z bazą danych SQL.

R scripts

R wykorzystuję do analizy danych w projektach, przy których pracuję w ramach doktoratu. Jednym z najważniejszych jest analiza koekspresji genów z wykorzystaniem ważonych sieci. Implementacja losowych krzyżowań w populacji z wykorzystaniem założeń praw Hardy'ego-Weinberga. Skrypt generujący dane do pytań, wraz z odpowiedziami do egzaminu z genetyki populacji.

MATEUSZ SACHAJKO

CONTACT

Phone: +48 517 607 344

Email: mateuszsachajko@gmail.com

[Google Scholar](#)

[GitHub](#)

[LinkedIn](#)

ABOUT ME

During my PhD program I worked on variety of projects where I had to use statistical methods and bioinformatics tools to analyze genetic data. During these projects I developed the passion for data, statistics and computer science.

SKILLS

- R
- Statistics
- Linux
- PostgreSQL
- Java

OTHER SKILLS

- Independence
- Quick learning
- Self-discipline
- Multitasking
- Willing to learn
- English: C1

HOBBIES

- Learning new things
- Genetics
- Computer games
- Guitar
- Stock market

WORK EXPERIENCE

PhD candidate

10.2018 – present | Nicolaus Copernicus University in Torun

- Bioinformatics analysis
- Statistical analysis of biological data
- Conducting classes

EDUCATION HISTORY

Computer Science (BSc)

2019– present | Nicolaus Copernicus University in Torun

Bioengineering of Animals (MSc)

2017– 2018 | University of Life Sciences in Warsaw

Biengineering of Animals (BSc)

2013 – 2017 | University of Life Sciences in Warsaw

PROJECTS

My Office

The app to manage tasks in the office written in Java. I used JavaFX for the user interface and ORMLite to communicate the user with SQL database.

R scripts

I use R to perform statistical and bioinformatics analysis for my PhD projects. The most important are weighted genes coexpression analysis for my PhD thesis, implementation of the random mating with the assumptions of Hardy-Weingberg law and script generating the random questions and answers for exam from genetic population.